

## СВЕДЕНИЯ

об официальном оппоненте по диссертации Агафонова Антона Александровича на тему «Методы и алгоритмы обработки гетерогенной информации и адаптивного управления в интеллектуальной транспортной системе», представленную на соискание ученой степени доктора технических наук по специальности 2.3.1. Системный анализ, управление и обработка информации, статистика (технические науки)

Фамилия, имя, отчество	Место основной работы (полное наименование организации, адрес), должность, телефон, адрес электронной почты	Ученая степень (с указанием шифра специальности научных работников, по которой защищена диссертация)	Основные работы, опубликованные в рецензируемых научных журналах за последние 5 лет (не более 15 публикаций)
Холодов Ярослав Александрович	<p>Автономная некоммерческая организация высшего образования «Университет Иннополис» 420500, Россия, г. Иннополис, ул. Университетская, д.1</p> <p>Руководитель лаборатории анализа данных и биоинформатики</p> <p>Тел.: +7 (843) 203-92-53 E-mail: ya.kholodov@innopolis.ru</p>	<p>Доктор физико-математических наук, 05.13.18 – Математическое моделирование, численные методы и комплексы программ</p>	<ol style="list-style-type: none"> <li>1. Gasnikova, E. An Evolutionary View on Equilibrium Models of Transport Flows / E. Gasnikova, A. Gasnikov, Y. Kholodov, A. Zukhba // Mathematics. — 2023. — Vol. 11(4). — P. 858.</li> <li>2. Desta, I.T. The ClusPro AbEMap web server for the prediction of antibody epitopes / I.T. Desta, S. Kotelnikov, G. Jones, U. Ghani, M. Abyzov, Y. Kholodov, D.M. Standley, D. Beglov, S. Vajda, D. Kozakov // Nature Protocols. — 2023. — Vol. 18(6). — P. 1814–1840.</li> <li>3. Desta, I.T. Mapping of antibody epitopes based on docking and homology modeling / I.T. Desta, S. Kotelnikov, G. Jones, U. Ghani, M. Abyzov, Y. Kholodov, D.M. Standley, M. Sabitova, D. Beglov, S. Vajda, D. Kozakov // Proteins: Structure, Function, and Bioinformatics. — 2023. — Vol. 91(2). — P. 171–182.</li> <li>4. Kholodov, Y. Generalization Second Order Macroscopic Traffic Models via Relative Velocity of the Congestion Propagation / Y. Kholodov, A. Alekseenko, V. Kazorin, A. Kurzhanskiy // Mathematics. — 2021. — Vol. 9(16). — P. 2001.</li> <li>5. Гребёнкин, И.В. Применение ансамбля нейросетей и методов статистической механики для предсказания связывания пептида с главным комплексом гистосовместимости / И.В. Гребёнкин, А.Е. Алексеенко, Н.А. Гайворонский, М.Г. Игнатов, А.М. Казённов, Д.В. Козаков, А.П. Кулагин, Я.А. Холодов // Компьютерные исследования и моделирование. — 2020. — Т. 12(6). — С. 1383–1395.</li> <li>6. Alekseenko, A. ClusPro LigTBM: Automated Template-based Small Molecule Docking / A. Alekseenko, S. Kotelnikov, M. Ignatov, M. Egbert, Y. Kholodov, S. Vajda, D. Kozakov // Journal of Molecular Biology. Ser. Computation Resources for Molecular Biology. — 2020. — Vol. 432(11). — P. 3404–3410.</li> <li>7. Kulagin, A. Deep Embeddings for Brand Detection in Product Titles /</li> </ol>

			<p>A. Kulagin, Y. Gavrilin, Y. Kholodov // Analysis of Images, Social Networks and Texts, Vol. 11832: Lecture Notes in Computer Science. — 2019. — P. 155–165.</p> <p>8. Kholodov, Y.A. Development of network computational models for the study of nonlinear wave processes on graphs / Y.A. Kholodov // Computer Research and Modeling. — 2019. — Vol. 11(5). — P. 777–814.</p> <p>9. Ignatov, M. Monte Carlo on the manifold and MD refinement for binding pose prediction of protein–ligand complexes: 2017 D3R Grand Challenge / M. Ignatov, C. Liu, A. Alekseenko, Z. Sun, D. Padhorny, S. Kotelnikov, A. Kazennov, I. Grebenkin, Y. Kholodov, I. Kolosvari, A. Perez, K. Dill, D. Kozakov // Journal of Computer-Aided Molecular Design. — 2019. — Vol. 33(1). — P. 119–127.</p>
--	--	--	--



Холодов Я.А.